

论著·基础研究 doi:10.3969/j.issn.1671-8348.2021.03.004

网络首发 <https://kns.cnki.net/kcms/detail/50.1097.r.20201210.1143.005.html>(2020-12-11)

miRNA-124-3p 抑制剂通过 Wnt/β-catenin 信号通路 调节缺氧缺糖心肌细胞凋亡的研究*

马彦娟,任 芳,李 闻,陈希妍,杨 平,石金河[△]

(新乡医学院第一附属医院急诊科,河南卫辉 453100)

[摘要] 目的 利用缺氧缺糖(OGD)诱导心肌细胞损伤的模型,探讨 miRNA-124-3p 抑制剂对 Wnt/β-catenin 信号通路及心肌细胞凋亡的影响。方法 利用低氧培养箱与低糖 DMEM 培养基建立 OGD 细胞模型,细胞分为正常对照组、OGD 组、NC-siRNA 组、miRNA-124-3p 抑制剂组和 Wnt1 siRNA 组,利用 Western blot 检测 miRNA-124-3p 抑制剂与 Wnt1 siRNA 对模型细胞中 Wnt1 及 β-catenin 表达的影响;利用 CCK-8 实验检测 miRNA-124-3p 抑制剂与 Wnt1 siRNA 对心肌细胞活性的影响;利用 Western blot 检测 miRNA-124-3p 抑制剂与 Wnt1 siRNA 对凋亡相关的蛋白 p53、Bcl-2、Bax 及裂解的半胱氨酸天冬氨酸蛋白酶-3(cleaved caspase-3)的影响。利用 ELISA 检测各组细胞悬液中肿瘤坏死因子-α(TNF-α)、白细胞介素(IL)-6 与 IL-1β 的水平。结果 miRNA-124-3p 抑制剂组和 Wnt1 siRNA 组心肌细胞 Wnt1 及 β-catenin 表达水平降低。CCK-8 检测结果显示,与 OGD 组比较,miRNA-124-3p 抑制剂组和 Wnt1 siRNA 组心肌细胞活性增高,而二者比较,差异无统计学意义($P > 0.05$)。Western blot 结果显示,与 OGD 组比较,miRNA-124-3p 抑制剂组和 Wnt1 siRNA 组 p53、Bcl-2 表达水平升高,Bax 及 cleaved-caspase-3 蛋白表达水平降低,而二者比较,差异无统计学意义($P > 0.05$)。ELISA 结果显示,miRNA-124-3p 抑制剂组和 Wnt1 siRNA 组 TNF-α、IL-6 与 IL-1β 水平降低,而二者比较,差异无统计学意义($P > 0.05$)。结论 miRNA-124-3p 抑制剂通过调节 Wnt1 及 β-catenin 表达来调控 Wnt/β-catenin 信号通路,进而调控 OGD 条件下诱导的心肌细胞的凋亡,减轻细胞损伤,降低炎性因子的释放,发挥心肌保护作用。

[关键词] 微小 RNA-124-3p;Wnt 信号通路;缺氧缺糖;肌细胞,心脏;细胞凋亡

[中图法分类号] R542.2 **[文献标识码]** A **[文章编号]** 1671-8348(2021)03-0378-05

Study on miRNA-124-3p inhibitor regulating apoptosis of cardiomyocytes induced by oxygen-glucose deprivation via Wnt/β-catenin signaling pathway*

MA Yanjuan,REN Fang,LI Chuang,CHEN Xiyan,YANG Ping,SHI Jinhe[△]

(Department of Emergency,The First Affiliated Hospital of Xinxiang Medical University,Weihui,Henan 453100,China)

[Abstract] **Objective** To investigate the effect of miRNA-124-3p inhibitor on Wnt/β-catenin signaling pathway and cardiomyocytes apoptosis by using the model of oxygen-glucose deprivation (OGD)-induced cardiomyocytes damage. **Methods** OGD model was established using a hypoxic incubator and low-glycemic DMEM medium, and divided into the control group, the OGD group, the NC-siRNA group, the miRNA-124-3p inhibitor group and the Wnt1 siRNA group. Western blot was used to detect the effect of miRNA-124-3p inhibitor and Wnt1 siRNA on the expression of Wnt1 and β-catenin in model cells. CCK-8 experiment was used to detect the effect of miRNA-124-3P inhibitor and Wnt1 siRNA on cardiomyocytes activity. Western blot was used to detect the effect of miRNA-124-3P inhibitor and Wnt1 siRNA on apoptosis-related proteins p53, Bcl-2, Bax and cleaved-caspase-3. ELISA was used to detect the levels of tumor necrosis factor-α (TNF-α), interleukin (IL)-6 and IL-1β in the cell suspension of each group. **Results** The expression levels of Wnt1 and β-catenin in cardiomyocytes of the miRNA-124-3p inhibitor group and the Wnt1 siRNA group decreased. CCK-8 showed

* 基金项目:国家自然科学基金青年基金项目(81600677)。作者简介:马彦娟(1982—),主治医师,硕士,主要从事急危重症医学研究。

△ 通信作者,E-mail:sjh4402901@163.com。

that compared with the OGD group, the cardiomyocytes activity of the miRNA-124-3p inhibitor group and the Wnt1 siRNA group increased, while there was no statistically significant difference between the two groups ($P > 0.05$). Western blot showed that compared with the OGD group, the expression levels of p53 and Bcl-2 in the miRNA-124-3p inhibitor group and the Wnt1 siRNA group increased, while the protein expression levels of Bax and cleaved-caspase-3 decreased, the difference was not statistically significant between the two groups ($P > 0.05$). ELISA showed that the levels of TNF- α , IL-6 and IL-1 β in the miRNA-124-3p inhibitor group and the Wnt1 siRNA group decreased, while there was no significant difference between the two groups ($P > 0.05$). **Conclusion** miRNA-124-3p inhibitor regulates the apoptosis of cardiomyocytes induced by OGD via Wnt/ β -catenin signal activity and reduces cell injury, decreases the release of inflammatory factors to exert myocardial protection.

[Key words] miRNA-124-3p; Wnt signaling pathway; oxygen-glucose deprivation; myocytes, cardiac; apoptosis

急性心肌梗死 (acute myocardial infarction, AMI) 是一种严重的心脏疾病, 是由于急性冠状动脉闭塞后导致的缺血缺氧而引起的心肌细胞死亡^[1]。目前, 大量研究表明在 AMI 心肌细胞功能受损和心力衰竭中, 炎症和心肌细胞凋亡发挥重要作用^[2]。miRNA 是一类非编码的长度为 19~25 个核苷酸的短链 RNA, 其在细胞的多种功能调节, 如分化、增殖、转移和凋亡等中发挥着重要作用^[3]。研究显示 miRNA-124 在 AMI 患者血清中的表达升高^[4], 下调 miRNA-124-3p 可通过抑制心肌细胞凋亡而发挥对心肌梗死的保护作用^[5]。还有研究表明, Wnt 信号通路参与调节大鼠心肌梗死模型中的细胞凋亡^[6]。miRNA-124-3p 是否可通过调节 Wnt/ β -catenin 信号通路发挥心肌细胞凋亡保护作用的研究还未见报道。本研究以 H9C2 细胞为研究对象, 检测缺氧缺糖 (oxygen-glucose deprivation, OGD) 模型中 miRNA-124-3p 抑制剂在调控 Wnt/ β -catenin 信号通路中及细胞凋亡的可能作用, 为心肌细胞缺血缺氧的治疗提供参考, 现报道如下。

1 材料与方法

1.1 材料

高糖 DMEM 培养基、低糖 DMEM 培养基及胎牛血清 (美国 Gibco 公司); Wnt1 siRNA、阴性对照 (negative control, NC) siRNA (美国 SANTA Cruz 公司); miRNA-124-3p 抑制剂 (上海吉玛基因公司); Lipofectamine 2000 转染试剂 (美国 Invitrogen 公司); Wnt1 抗体、 β -catenin 抗体、p53 抗体、Bax 抗体、Bcl-2 抗体 (美国 SANTA Cruz 公司); 裂解的半胱氨酸天冬氨酸蛋白酶-3 (cleaved-caspase-3) 抗体 (美国 Abcam 公司); GAPDH 抗体 (美国 Sigma 公司); 荧光 II 抗 (美国 LI-COR 公司)。

1.2 方法

1.2.1 H9C2 的培养

大鼠心肌细胞 H9C2 细胞株 (协和细胞库) 培养于高糖 DMEM 培养基 (内含 10% 胎牛血清, 100 U/mL 青霉素及 0.1 mg /mL 链霉素), 37 °C、5% CO₂ 恒温培养箱, 2~3 d 传代 1 次。

1.2.2 OGD 模型的建立及实验细胞分组

正常条件下培养的对数生长期的 H9C2 细胞, 更换成无血清低糖 DMEM 培养基, 1% O₂、94% N₂、5% CO₂ 恒温培养箱培养 48 h, 形成 OGD 模型。细胞分为正常对照组、OGD 组、NC-siRNA 组 (转染 NC-siRNA 后 OGD 条件培养 48 h)、miRNA-124-3p 抑制剂组 (转染 miRNA-124-3p 抑制剂后 OGD 条件培养 48 h) 和 Wnt1 siRNA 组 (转染 Wnt1 siRNA 后 OGD 条件培养 48 h)。

1.2.3 心肌细胞转染

利用 Lipofectamine2000 转染试剂分别将 miRNA-124-3p 抑制剂、Wnt1 siRNA 与 NC-siRNA 转染至 H9C2 细胞。

1.2.4 心肌细胞活性的检测

将 H9C2 接种于无菌的 96 孔板中, 密度为 5×10^3 个/孔, 按照 1.2.2 方法将细胞分为 5 组, 在 OGD 培养 48 h 后检测各组细胞活性, 每孔加入 10 μ L CCK-8 溶液, 37 °C、5% CO₂ 培养条件下继续孵育 3 h, 酶标仪 450 nm 处测光密度 (A) 值。

1.2.5 Western blot

利用 RIPA 裂解液提取 5 组细胞总蛋白。常规十二烷基硫酸钠-聚丙烯酰胺凝胶 (SDS-PAGE) 电泳及转膜后, 室温条件下封闭膜 1 h (利用 5% 脱脂奶粉), 分别用 Wnt1 抗体 (1 : 1 000)、 β -catenin 抗体 (1 : 1 000)、p53 抗体 (1 : 500)、Bax 抗体 (1 : 500)、Bcl-2 抗体 (1 : 500)、cleaved-caspase-3 抗体 (1 : 1 000) 及 GAPDH 抗体 (1 : 10 000) 4 °C 条件下孵育膜过夜 (12 h 以上), 室温避光条件下荧光 II 抗 (1 : 1 000) 孵育 2 h, 利用 Odyssey 曝光, Image J 软

件分析灰度值。

1.2.6 ELISA 检测肿瘤坏死因子- α (TNF- α)、白细胞介素(IL)-6 及 IL-1 β 的水平

收集上述 5 组细胞的培养液,2 000 r/min,4 ℃ 离心 10 min,取上清液,采用 ELISA 法测定各组细胞培养液中 TNF- α 、IL-6 及 IL-1 β 水平。

1.3 统计学处理

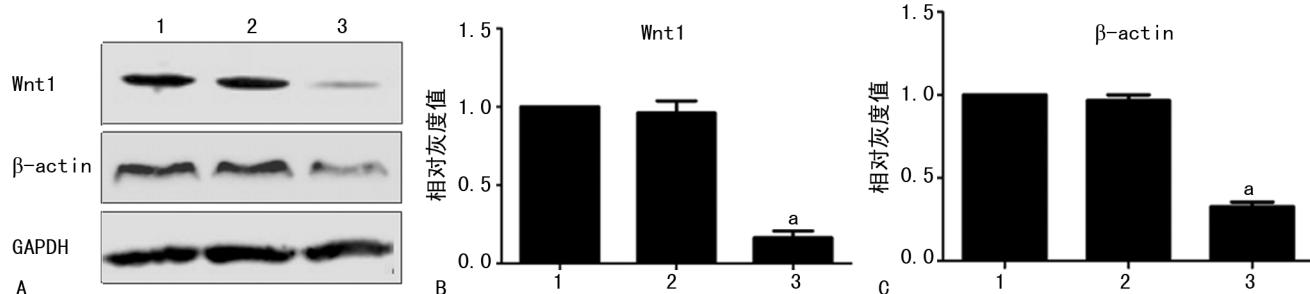
采用 SPSS19.0 软件进行数据分析,计量资料以 $\bar{x} \pm s$ 表示,两组间比较采用 t 检验,多组间比较采用单因素方差(one-way ANOVA)分析,以 $P < 0.05$ 为

差异有统计学意义。

2 结 果

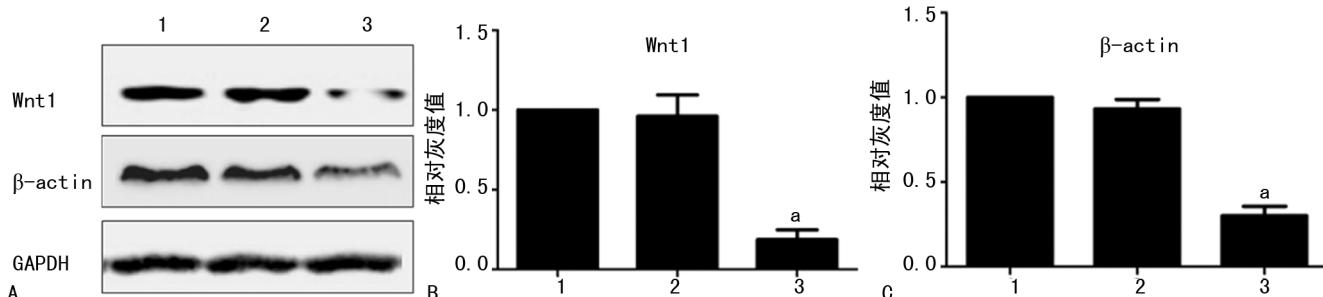
2.1 miRNA-124-3p 抑制剂与 Wnt1 siRNA 对 Wnt1 及 β -catenin 表达的影响

Western blot 结果显示,与 NC-siRNA 组比较,miRNA-124-3p 抑制剂组和 Wnt1 siRNA 组心肌细胞 Wnt1 及 β -catenin 表达水平明显降低($P < 0.05$),而 NC-siRNA 组与 OGD 组比较,差异无统计学意义($P > 0.05$),见图 1、2。



1:正常对照组;2:NC-siRNA 组;3:Wnt1 siRNA 组;^a: $P < 0.01$,与 NC-siRNA 组比较。

图 1 Wnt1 siRNA 对 Wnt1 与 β -catenin 表达的影响



1:正常对照组;2:NC-siRNA 组;3:miRNA-124-3p 抑制剂组;^a: $P < 0.05$,与 NC-siRNA 组比较。

图 2 miRNA-124-3p 抑制剂对 Wnt1 与 β -catenin 表达的影响

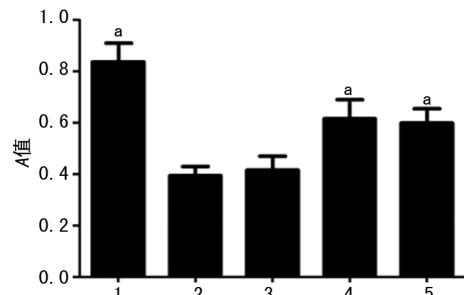
2.2 各组心肌细胞活性比较

CCK-8 结果显示,正常对照组心肌细胞的活性较高,而 OGD 组心肌细胞的活性明显降低($P < 0.05$);与 OGD 组比较,miRNA-124-3p 抑制剂组和 Wnt1 siRNA 组细胞活性明显升高($P < 0.05$),而 miRNA-124-3p 抑制剂组和 Wnt1 siRNA 组细胞活性比较,差异无统计学意义($P > 0.05$),见图 3。

2.3 各组 p53、Bcl-2、Bax 及 cleaved-caspase-3 蛋白表达水平比较

与正常对照组比较,OGD 组 p53、Bcl-2 蛋白表达水平降低,而 Bax 及 cleaved-caspase-3 的表达水平升高($P < 0.05$)。与 OGD 组比较,miRNA-124-3p 抑制剂组和 Wnt1 siRNA 组 p53、Bcl-2 蛋白表达水平升高,Bax 及 cleaved-caspase-3 表达水平降低($P < 0.05$),而 miRNA-124-3p 抑制剂组和 Wnt1 siRNA

组比较,差异无统计学意义($P > 0.05$),见图 4。



1:正常对照组;2:OGD 组;3:NC-siRNA 组;4:miRNA-124-3p 抑制剂组;5:Wnt1 siRNA 组;^a: $P < 0.05$,与 OGD 组比较。

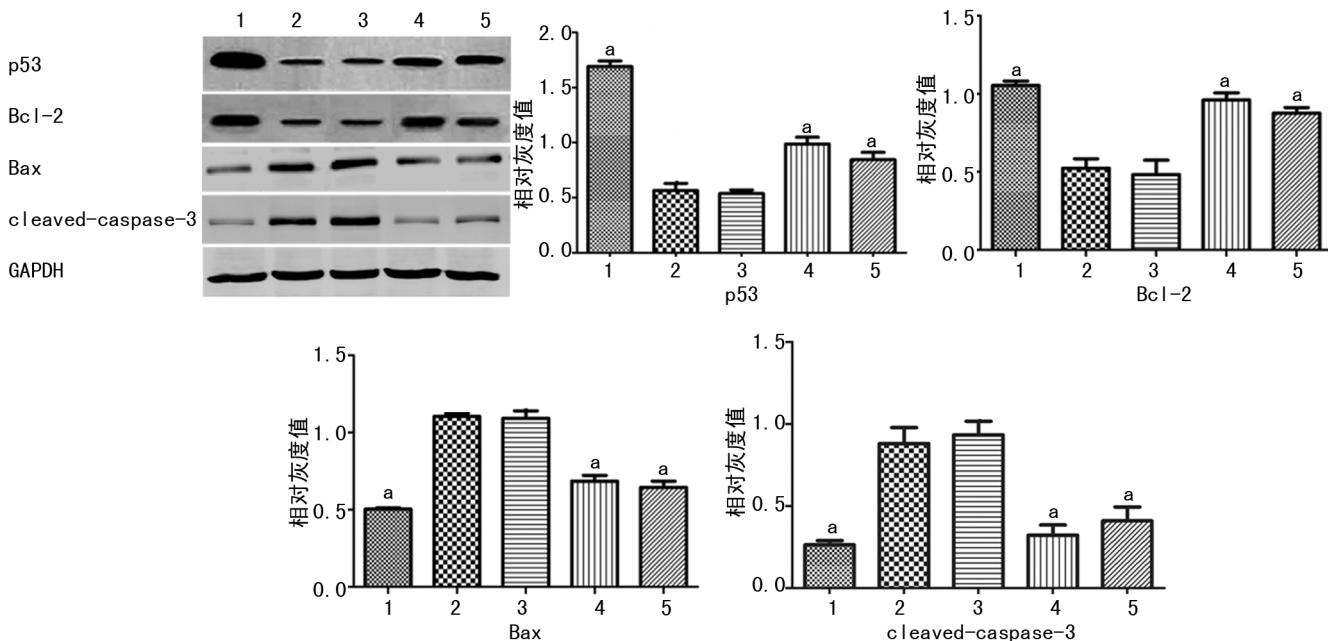
图 3 各组心肌细胞活性比较

2.4 各组 TNF- α 、IL-6 及 IL-1 β 水平比较

与正常对照组比较,OGD 组 TNF- α 、IL-6 及 IL-1 β 水平升高($P < 0.05$);与 OGD 组比较,miRNA-

124-3p 抑制剂组和 Wnt1 siRNA 组 TNF- α 、IL-6 及 IL-1 β 水平明显降低 ($P < 0.05$)，而 miRNA-124-3p

抑制剂组和 Wnt1 siRNA 组比较，差异无统计学意义 ($P > 0.05$)，见表 1。



1：正常对照组；2：OGD 组；3：NC-siRNA 组；4：miRNA-124-3p 抑制剂组；5：Wnt1 siRNA 组；^a： $P < 0.05$ 。

图 4 各组 p53、Bcl-2、Bax 和 cleaved-caspase-3 蛋白表达水平比较

表 1 各组 TNF- α 、IL-6 及 IL-1 β 水平比较 ($\bar{x} \pm s$, pg/mL)

| 组别 | TNF- α | IL-6 | IL-1 β |
|-------------------|-----------------------------|----------------------------|----------------------------|
| 正常对照组 | 66.72 ± 2.37 | 52.64 ± 2.63 | 72.77 ± 3.34 |
| OGD 组 | 314.37 ± 10.83 ^a | 232.62 ± 7.64 ^a | 352.42 ± 9.88 ^a |
| NC-siRNA 组 | 310.62 ± 10.25 | 230.33 ± 7.17 | 348.51 ± 9.19 |
| miRNA-124-3p 抑制剂组 | 124.38 ± 5.68 ^b | 98.34 ± 4.63 ^b | 147.67 ± 5.87 ^b |
| Wnt1 siRNA 组 | 143.21 ± 6.02 ^b | 103.14 ± 4.92 ^b | 152.44 ± 5.98 ^b |

^a： $P < 0.05$ ，与正常对照组比较；^b： $P < 0.05$ ，与 OGD 组比较。

3 讨 论

AMI 是当前临幊上常见的缺血性心脏病之一，其发病机制较为复杂，研究表明炎症和心肌细胞凋亡参与介导心肌功能受损和心力衰竭，在 AMI 的发病机制中发挥重要作用^[2,7]。

Wnt 通路是一种进化保守的信号转导通路，在个体发育和成人期调控着多种细胞功能。AMI 发生后，Wnt 信号通路通常会被激活，因此，通过抑制 Wnt 信号通路的激活或可成为一种减轻或修复 AMI 所引起的心肌细胞损伤的有效策略^[8-9]。

MiRNA 是一类非编码短链 RNA，多种 miRNA 在心肌细胞的损伤中及 AMI 的治疗中发挥着重要作用^[10-11]。MAYORGA 等^[12]研究表明 Wnt/ β -catenin 信号通路及 miRNA-145 参与 AMI 发展的调节。SUN 等^[6]研究显示 miRNA-154 通过激活 Wnt/ β -catenin 信号通路参与调节心肌梗死大鼠心肌细胞的凋亡。miRNA-34a 通过调节 Wnt/ β -catenin 信号通

路的激活，调控 AMI 所引起的细胞凋亡^[13]。作为 miRNA 家族的成员之一，miRNA-124-3p 也在细胞的增殖与凋亡中发挥着作用^[14-15]。BAI 等^[16]研究显示，CircHIPK3 与 miRNA-124-3p 结合可抑制心肌缺血再灌注损伤后心肌细胞增殖能力和诱导凋亡，下调 miRNA-124-3p 可通过抑制心肌细胞凋亡而发挥对心肌梗死的保护作用^[5]。然而，miRNA-124-3p 的作用机制并不明确，在 OGD 条件下，抑制 miRNA-124-3p 与 Wnt/ β -catenin 信号通路及细胞凋亡之间的关系，还未见报道。

本实验结果显示，利用 OGD 模型转染 miRNA-124-3p 抑制剂与 Wnt1 siRNA 至心肌细胞后，Wnt1 siRNA 可有效敲低模型心肌细胞 Wnt1 与 β -catenin 的表达，而 miRNA-124-3p 抑制剂同样可有效敲低模型心肌细胞中 Wnt1 与 β -catenin 的表达，说明 miRNA-124-3p 对其有一定的调节作用；与 OGD 组细胞相比较 miRNA-124-3p 抑制剂与 Wnt1 siRNA 可提高 OGD 组中心肌细胞的活性，且二者比较，差异无统计学意义 ($P > 0.05$)。

为了检测 miRNA-124-3p 抑制剂与 Wnt1 siRNA 在心肌细胞凋亡中的作用机制，本课题组利用 Western blot 检测了各组细胞凋亡相关蛋白的表达，与正常对照组相比较，OGD 组细胞中 p53、Bcl-2 蛋白的表达均明显降低，Bax 及 cleaved-caspase-3 的表达明显升高；而与 OGD 组比较，miRNA-124-3p 抑制剂组和 Wnt1 siRNA 组细胞中 p53、Bcl-2 蛋白的表达明显升

高, Bax 及 cleaved-caspase-3 的表达明显降低,且两组 p53、Bcl-2、Bax 及 cleaved-caspase-3 蛋白水平比较,差异无统计学意义($P < 0.05$),ELISA 结果显示转染 miRNA-124-3p 抑制剂及 Wnt1 siRNA 后,细胞中 TNF- α 、IL-6 及 IL-1 β 水平均明显降低,且二者比较,差异无统计学意义($P > 0.05$)。说明 miRNA-124-3p 抑制剂对 OGD 的心肌细胞有一定的保护作用。

综上所述,miRNA-124-3p 抑制剂可通过抑制 Wnt1 与 β -catenin 的表达来抑制 Wnt 信号通路的激活,进一步抑制心肌细胞的凋亡,减轻细胞损伤,减少炎性因子的释放,对 OGD 的心肌细胞起到保护作用。可为临床心肌细胞缺血缺氧的治疗提供参考。

参考文献

- [1] REED G W, ROSSI J E, CANNON C P. Acute myocardial infarction [J]. Lancet, 2017, 389(10065):197-210.
- [2] FENG Y, ZHAO J, HOU H, et al. WDR26 promotes mitophagy of cardiomyocytes induced by hypoxia through Parkin translocation[J]. Acta Biochim Biophys Sin (Shanghai), 2016, 48(12): 1075-1084.
- [3] FUJII T, SHIMADA K, NAKAI T, et al. MicroRNAs in smoking-related carcinogenesis: biomarkers, functions, and therapy [J]. J Clin Med, 2018, 7(5):98.
- [4] GUO M L, GUO L L, WENG Y Q. Implication of peripheral blood miRNA-124 in predicting acute myocardial infarction [J]. Eur Rev Med Pharmacol Sci, 2017, 21(5):1054-1059.
- [5] HU G, MA L, DONG F, et al. Inhibition of microRNA-124-3p protects against acute myocardial infarction by suppressing the apoptosis of cardiomyocytes[J]. Mol Med Rep, 2019, 20(4): 3379-3387.
- [6] SUN H Y, WANG X L, MA L C, et al. Influence of miR-154 on myocardial apoptosis in rats with acute myocardial infarction through Wnt/ β -catenin signaling pathway[J]. Eur Rev Med Pharmacol Sci, 2019, 23(2):818-825.
- [7] MAURO A G, BONAVENTURA A, MEZZA ROMA E, et al. NLRP3 inflammasome in acute myocardial infarction[J]. J Cardiovasc Pharmacol, 2019, 74(3):175-187.
- [8] 李红艳,赵思涵,陈政,等.靶向 Wnt 信号通路在心肌梗死治疗中的研究进展[J].临床心血管病杂志,2020,36(5):479-484.
- [9] LIN J C, CHANG R L, CHEN Y F, et al. β -Catenin overexpression causes an increase in inflammatory cytokines and NF- κ B activation in cardiomyocytes[J]. Cell Mol Biol (Noisy-le-grand), 2016, 63(1):17-22.
- [10] CHU X, WANG Y, PANG L, et al. miR-130 aggravates acute myocardial infarction-induced myocardial injury by targeting PPAR- γ [J]. J Cell Biochem, 2018, 119(9):7235-7244.
- [11] PINCHI E, FRATI P, AROMATARO M, et al. miR-1, miR-499 and miR-208 are sensitive markers to diagnose sudden death due to early acute myocardial infarction [J]. J Cell Mol Med, 2019, 23(9):6005-6016.
- [12] MAYORGA M E, PENN M S. MiR-145 is differentially regulated by TGF- β 1 and ischaemia and targets Disabled-2 expression and wnt/ β -catenin activity[J]. J Cell Mol Med, 2012, 16(5):1106-1113.
- [13] LI J H, DAI J, HAN B, et al. MiR-34a regulates cell apoptosis after myocardial infarction in rats through the Wnt/ β -catenin signaling pathway [J]. Eur Rev Med Pharmacol Sci, 2019, 23(6): 2555-2562.
- [14] CHENG C, XU B L, SHENG J L, et al. LncRNA MALAT1 regulates proliferation and apoptosis of vascular smooth muscle cells by targeting miRNA-124-3p/PPAR α axis[J]. Eur Rev Med Pharmacol Sci, 2019, 23(20): 9025-9032.
- [15] LI X, ZHAO Z, LI M, et al. Sulforaphane promotes apoptosis, and inhibits proliferation and self-renewal of nasopharyngeal cancer cells by targeting STAT signal through miRNA-124-3p [J]. Biomed Pharmacother, 2018, 103(6): 473-481.
- [16] BAI M, PAN C L, JIANG G X, et al. CircHIPK3 aggravates myocardial ischemia-reperfusion injury by binding to miRNA-124-3p[J]. Eur Rev Med Pharmacol Sci, 2019, 23(22):10107-10114.